

Průměrná heterozygotnost (H) – součet podílů heterozygotů ve všech lokusech / celkový počet odebraných vzorků. Obvykle se uvádí očekávaná heterozygotnost (H_E), protože je méně citlivá na velikost vzorku než heterozygotnost pozorovaná (H_O). V populacích, kde dochází k náhodnému páření, jsou hodnoty pozorované a očekávané heterozygotnosti podobné.

Alelická diverzita (A), nebo také používán termín alelická bohatost (AR) – průměrný počet alel na lokus. (Frankham a kol., 2002)

Genetická vzdálenost – míra genetického rozdílu mezi frekvencemi alel ve dvou populacích nebo dvou druzích. (Frankham a kol., 2002)

Genetický tok – významný evoluční vývoj, kdy dochází k předávání genů mezi populacemi díky procesu migrace (Flegr, 2005)

Fitness – vyjadřuje relativní schopnost jedince přežít a reprodukovat se (Primack a kol., 2011)

Inbreeding a inbreední deprese – pojem inbreeding označuje příbuzenské křížení a jejím důsledkem je, že vzrůstá homozygotnost, tj. pravděpodobnost, že potomek získá od obou rodičů stejnou alelu daného genu a alely se tedy dostávají do homozygotního stavu. To je nebezpečné především pro škodlivé formy daného genu, které se v populacích ojediněle vyskytují, ale většinou jako recesivní alely (Zemanová a kol., 2016) v heterozygotní kombinaci (složení). Jejich projev je tedy tlumen dominantní alelou a navenek se neprojevují. Inbreeding má vliv především na geny spojené s funkčními znaky a projevuje se inbreední depresí. Může vést např. ke snížení přežitelnosti (např. zvýšený úhyn potomků, celkově snížená odolnost a dlouhověkost) a reprodukčních schopností jedinců (např. velikost vrhu, snížení kvality a objemu spermatu, zpoždění reprodukční dospělosti) (Zemanová a kol., 2016; Frankham a kol., 2009).

F_{IS} anebo také koeficient inbreedingu – je podíl variability v subpopulaci obsažené v jedinci. Vysoký F_{IS} znamená značný stupeň příbuzenské plemenitby. (UWYO, 2013)

Genetický drift – děj, při kterém dochází k náhodnému posunu alel na následovnou generaci. Tato situace nastává zvláště u malých populací, kde je

migrace omezená a tím také genetický tok a genetická variabilita je zpravidla nižší. (Flegr, 2005; Frankham, 2002)

Bottleneck – tento proces nastává, kdy dojde ke prudkému zmenšení velikosti původní populace. Faktory, které tuto změny velikosti způsobili nejsou většinou delšího trvání, a tak při dalším nárůstu populace na jeho původní velikost se její genetická skladba od té původní liší a je také zpravidla nižší. Tento stav může také být výsledkem zakládání nových populací a kolonizací. (Flegr, 2005; Frankham a kol., 2002)

F_{ST} – je podíl celkové genetické variability obsažené v subpopulaci (index S) vzhledem k celkové genetické variabilitě (index T). Vysoká hodnota F_{ST} znamená značný stupeň diferenciace mezi populacemi. (UWYO, 2013)